

Chat 2022-01-22 Seminarium: Publicering av DNA-resultat

Ann-Charlotte Lagerström Sundsvall: Tre oerhört bra föredrag.

Eva: Förklara lite av de svåra orden, fåra är det ok att publicera? Dna-koden - hur hindrar man att det "läcker" till obehöriga ?

Torgny Larsson, Malmö: Jag kan i mycket identifiera mig med Evas resonemang, som jag tycker är grundläggande. Åstrands reflektion mot gällande riktlinjer för vanlig publicering också en

Lars Åke Stenemo: Ett problem lär bli att väldigt få släktforskare kommer att arbeta på det sätt som föreslås, och som jag delar. Man lägger i stället ut uppgifter på sina hemsidor. Jag tror man måste framhålla de etiska frågorna mycket mera. - Hur ser ni på de "hypoteser" som MyHeritage och Ancestry skapar?

Maria Halmfors, Stockholm: GPS =Genealogical Proof Standard

Thomas Fürth: På svenska finns en skillnad mellan belägg och bevis.

Lars Åke Stenemo: Jag försökte sända bilaga som visar hur jag dokumenterar DNA-träffar men får upp "Dsik iO error". Hur lösa?

Lars Åke Stenemo: Man skall aldrig lämna ut sin DNA-kod. Jag anser att vi måst se ett steg fram då DNA-segmenten ges innebörd i egenskaper, vilket inte ligger långt borta.

Kjersti: Förnamn på nu levande är inte alltid så anonymt.

Charlotte: Jag verifierar med DNA-personen och ber om återkoppling. Tyvärr tackar de bara för dokumentet. Jag vill gärna ha en återkoppling innan jag publicerar i t. ex Disbyt. Hur ser ni andra på detta?

Eva Dahlberg: <https://www.sgfm.se/projekt/oakta-barn/>

Magnus Hellblom, Lund: I projekt "oäkta barn" har vi också inkluderat att lämna information om okända fäder som tagits fram via DNA.

Anna Sweden: Har en hög DNA träff på mig som varken matchar min far eller mor. Visar bara att man inte kan lita på alla träffar,

Eva Dahlberg: Shared cM Project - länk <https://dnapainter.com/tools/sharedcmv4>

Christer Carmevik, Stockholm: Anna, vad är "hög"?

Anna Sweden: 50. Mitt test är från MH mina föräldrar på FT.

Lena Landstedt: Intressant diskussion! Tack till alla! (Måste tyvärr avvika)

Magnus Hellblom, Lund: Tack för en intressant eftermiddag. Måste tyvärr avvika

Charlotte: Jag får ta och börja använda mig av Triangulering när det går

Margareta Hammerman: @Eva Sweden: jag har samma, men personen i fråga har inte testat sig på FTDNA och dyker därför. Finns bara på MH.

Maria Halmfors, Stockholm: Det är viktigt att jämföra segmenten i kromosomläsare och DNA Painter för att tydligare att se att det är samma anpar som träffarna delar.

Viveka Eriksson, Katrineholm: Intressant! Tack!

Ann-Charlotte Lagerström Sundsvall: Mycket intressant och lärorik eftermiddag. Stort tack!

Margareta Hammerman: Tack! Intressant.

Maria Halmfors, Stockholm: Tack så mycket för mycket seminarium!

Marianne Ljungström Upplands Väsby: Tack för ett intressant seminarium

Christina Claeson, Göteborg: Tack alla, jätteintressant

Ingrid Christensson: Tack för intressant seminarium.

eva: Tack

Nick Pernblad: Tack!

Stina Loo: Trevligt och välbehövligt!

Irene Sjöberg, Helsingborg: Tack! Intressant

Nettan Gundhus, Uppsala: Tack mycket intressant och många bra tankar

Charlotte: Tack alla för en trevlig och nyttig dag

Anna Sweden: 👍

Gösta Andersson: Tack för bra åsikter